

---

# **Kodierung**

# **Genetische Algorithmen und**

# **Simulated Annealing**

## **Referenten**

Dipl.-Ing. (FH) Christian Benjamin Ries

Dipl.-Ing. (FH) Matthias Vollmer

## Erklärung des Genetischen Algorithmus

$f(x)=x^2$  (2-dimensional)

## Verschiedene Codierungen

Binärcode, Gray-Code,

## Testreihen

Parameter

Funktionen

## Messergebnisse

Konvergenzverhalten

Zeitverhalten

## Fazit

# Erklärung des Genetischen Algorithmus

---

1. Popsizenzu erzeugen
2. Fitnesswerte zuweisen
3. Selektion (RouletteWheel)
4. Crossover
5. Mutation

## Beispielfunktion:

$f(x)=x^2$  (2-dimensional)

um das Minimum zu finden, wird von der 1 das Maximum abgezogen

→  $f(x)=-x^2$

## 1. Popsizenzu festlegen, mit den Grenzen des Suchbereichs

popsizenzu=8

$x_l=-6$ ;  $x_r=6$

Werte:  $l_1 = -6, l_2 = -4, l_3 = -3, l_4 = -1, l_5 = 1, l_6 = 2, l_7 = 5, l_8 = 6,$

## Beispielfunktion:

$$f(x)=x^2 \text{ (2-dimensional)}$$

$$\rightarrow f(x)=-x^2$$

## 2. Fitnesswerte zuweisen

$$\text{popsize}=8$$

$$xl=-6; xr=6$$

$$\text{Werte: } l_1 = -6, l_2 = -4, l_3 = -3, l_4 = -1, l_5 = 1, l_6 = 2, l_7 = 5, l_8 = 6,$$

$$f(x) : l_1 = 36, l_2 = 16, l_3 = 9, l_4 = 1, l_5 = 1, l_6 = 4, l_7 = 25, l_8 = 36,$$

$$\text{fit}(c) = m - f(x) \text{ (} m \geq \max (f(x) \ x \in S) \text{)} \quad m=36$$

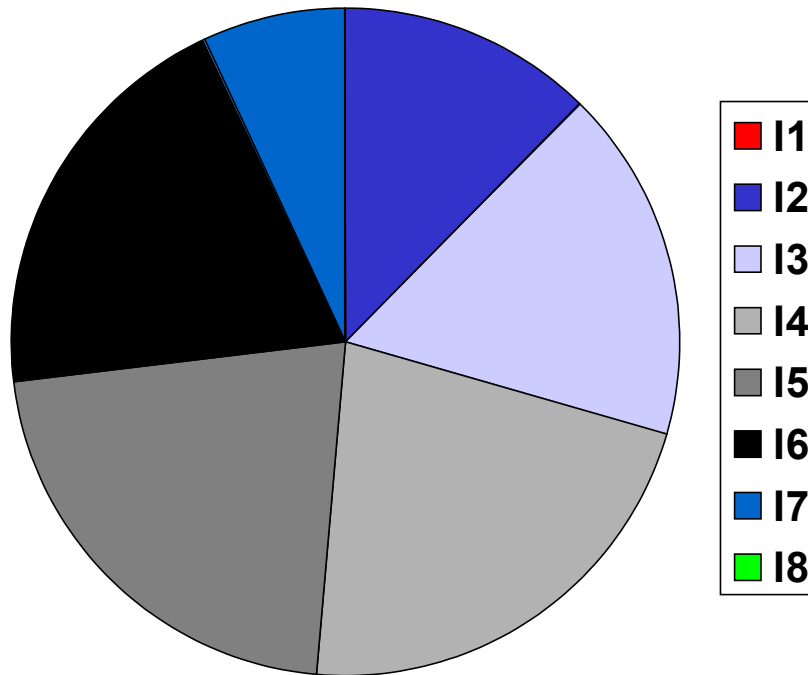
$$\text{fit}(c): l_1 = 0, l_2 = 20, l_3 = 27, l_4 = 35, l_5 = 35, l_6 = 32, l_7 = 11, l_8 = 0,$$

$$p(c) = 1 - \text{fit}(c) / F$$

$$p(c): \quad l_1 = 0 \quad l_2 = 0,125 \quad l_3 = 0,16875 \quad l_4 = 0,21875$$

$$l_5 = 0,21875 \quad l_6 = 0,2 \quad l_7 = 0,06875 \quad l_8 = 0$$

## 3. Selektion (RouletteWheel)



Wähle popsize x mal (8x) zufällig ein Individuum aus

Die Überlebenswahrscheinlichkeit entspricht dabei den RouletteRadsegmenten

Annahme der wahrscheinlichen neuen Population:

$$I_1 = 2, I_2 = 1, I_3 = -1, I_4 = 1,$$

$$I_5 = 2, I_6 = 2, I_7 = -3, I_8 = 5,$$

## 4. Crossover

- Erzeuge Zufallszahlen zwischen [0;1], für jedes Individuum der neuen Population

```
for i=1:popsize  
    r = rand(1);
```

- Vergleiche die Zufallszahl  $r$  mit der Wahrscheinlichkeit  $p(c)$  und schreibe die Indizes raus, wenn  $r < p(c)$

```
if r < c_next_select_feasibility(i)  
    indezes(indezes_counter) = i;  
    indezes_counter = indezes_counter + 1;
```

- Bei ungeraden Indizes wird der letzte gelöscht (reparieren)
- Erzeugen der Zufallszahlen, an welcher Stelle der Chromosomen ein Crossover stattfinden soll  
(1 point-x-over, 2 point-x-over, Inversion, Parametrisierter Uniform)
- Durchführen des Crossover mit zwei benachbarten Chromosomen
- Chromosomen außerhalb des Suchraums werden auf den Rand gelegt

Individuen nach Crossover:  $l_1 = 3, l_2 = 0, l_3 = -1, l_4 = 1, l_5 = 2, l_6 = 2, l_7 = 3, l_8 = -5,$

## 1. Mutation

- Wähle zufällig Individuen für die Mutation aus
- Wähle zufällig die Stelle die mutiert (invertiert) werden soll  
Da die Informationen des Gens binär (0, 1) dargestellt werden, gibt es nur 2 unterschiedliche Allele

Bsp.:  $l_1 = 3, l_2 = 0, l_3 = -1, l_4 = 1, l_5 = 2, l_6 = 2, l_7 = 3, l_8 = -5,$

Der Suchraum lässt sich mit 4 Bit beschreiben

Invertierung des 1. Bit:  $\pm 1$

Invertierung des 2. Bit:  $\pm 2$

Invertierung des 3. Bit:  $\pm 4$

Invertierung des 4. Bit: Vorzeichenänderung

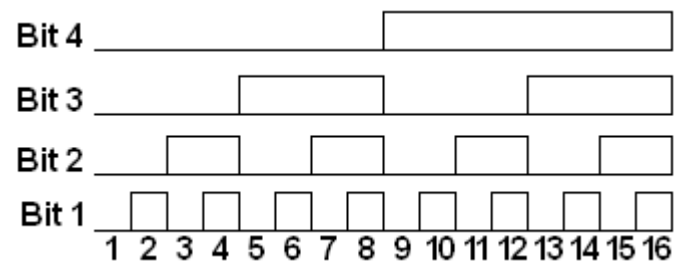
# Verschiedene Codierungen

1. Binärcode
2. Gray-Code
3. Floating point

## Parametrierung über

```
codecid:  
  [1] = binary  
  [2] = gray-code  
  [3] = floating point
```

## 1. Binärcode

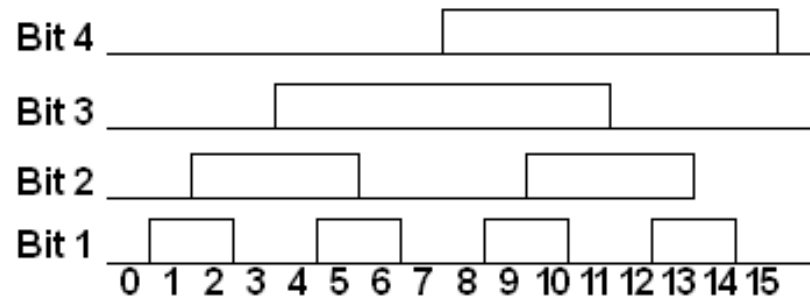


Bit 4	Bit 3	Bit 2	Bit 1	Dezi
0	0	0	0	0
0	0	0	1	1
0	0	1	0	2
0	0	1	1	3
0	1	0	0	4
0	1	0	1	5
0	1	1	0	6
0	1	1	1	7
1	0	0	0	8



## 2. Gray-Code

- verwendet ebenfalls zur Darstellung von Informationen die Basis 2  
Dadurch können beispielsweise mit einer Länge von 8 Bit  
 $2^8 = 256$  Informationen dargestellt werden
- Bei 2 benachbarten Zahlen ändert sich immer nur 1 Bit



Bit 4	Bit 3	Bit 2	Bit 1	Dezi
0	0	0	0	0
0	0	0	1	1
0	0	1	1	2
0	0	1	0	3
0	1	1	0	4
0	1	1	1	5
0	1	0	1	6
0	1	0	0	7
1	1	0	0	8

## Umrechnungen zwischen Binärcode, Gray-Code und Dezimalzahlen

### 1. Binär → Dezimalzahl

$$Ergebnis = \sum_{i=10}^{n-1} Wert_i * 2^i$$

Bsp.:

$$101001 = 1 * 2^6 + 0 * 2^5 + 1 * 2^4 + 0 * 2^3 + 0 * 2^2 + 1 * 2^1 = 82$$

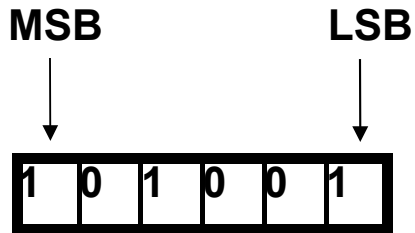
### 2. Gray-Code → Dezimalzahl

Bsp.:

$$101001 = 1 * 2^6 - (0 * 2^5 - 1 * 2^4 - 0 * 2^3 - 0 * 2^2 - 1 * 2^1) = 46$$

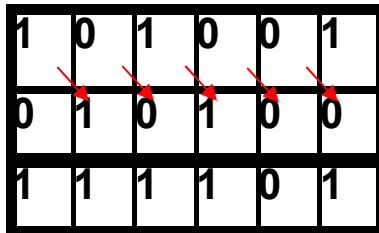
## Umrechnungen zwischen Binärcode, Gray-Code und Dezimalzahlen

### 3. Binär → Gray-Code



MSB = most significant bit  
LSB = least significant bit

Das LSB des Binär-codes wird gelöscht und die beiden Zahlen dann mit dem XOR-Gatter verknüpft.



A	B	A XoR B
0	0	0
0	1	1
1	0	1
1	1	0

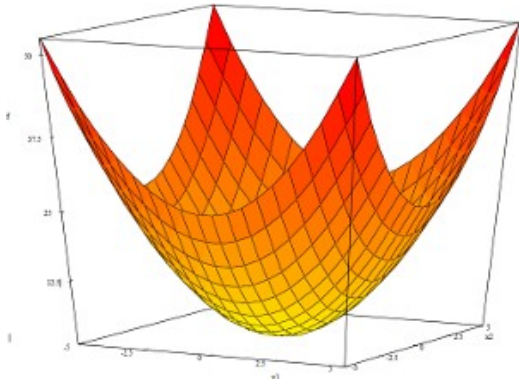
## Parameter für GA

- Anwachsende Population, von *50-1000*
- Mittelung der Ergebnisse bei *10* Messreihen
- Selektionswahrscheinlichkeit ist stochastisch (RouletteWheel)
- Mutationswahrscheinlichkeit := *5%*
- Crossover-Operator: Two-Point-Crossover
- Crossover-Wahrscheinlichkeit := Wahrscheinlichkeit des vorherigen Durchlaufs

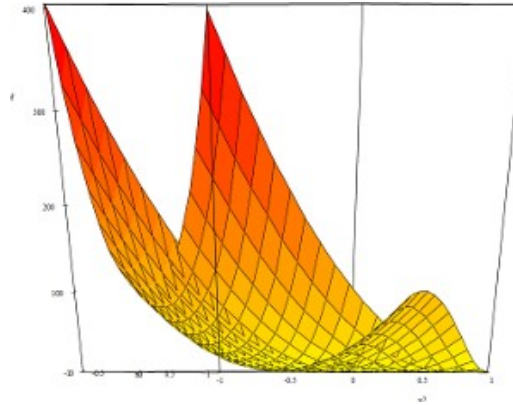
## Parameter für Simulated Annealing

- Mittelung der Ergebnisse bei *10* Messreihen
- $\vec{v} ec_0 = \text{Grenzwerte}$  ,  $T=10$ ,  $a = 0.895$  (sollte zwischen *0.8-0.99* liegen),  
 $abort = 1000$

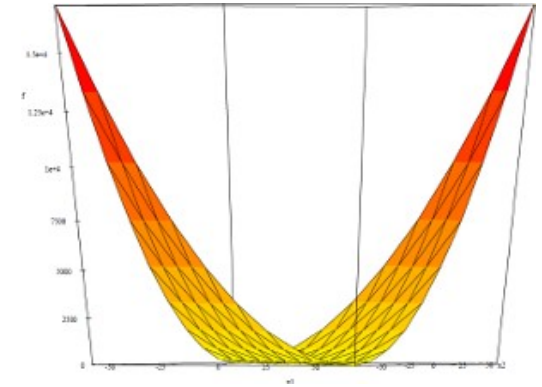
# Testfunktionen



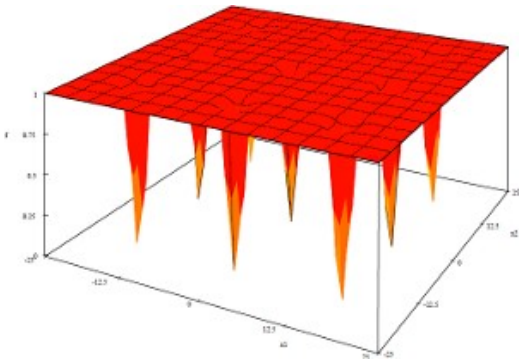
Sphäre Funktion



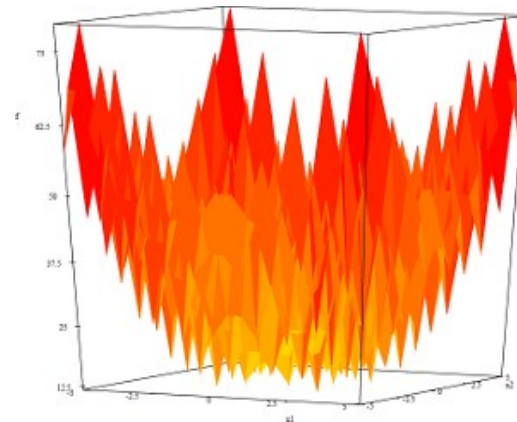
Rosenbrock's Sattel



Schwefel Funktion



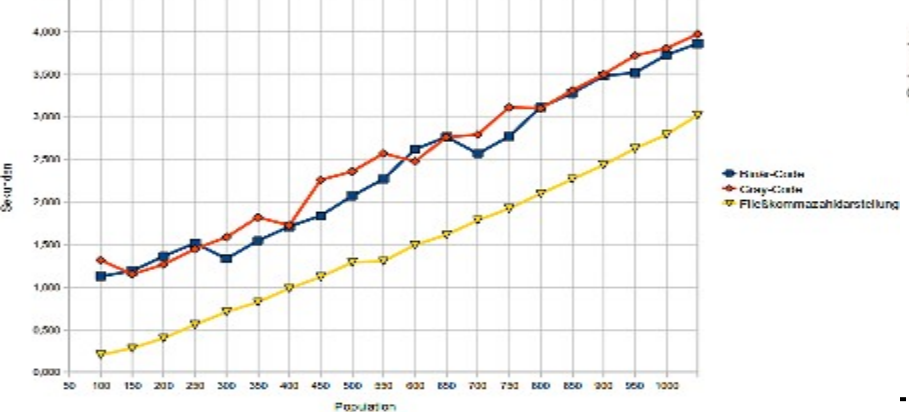
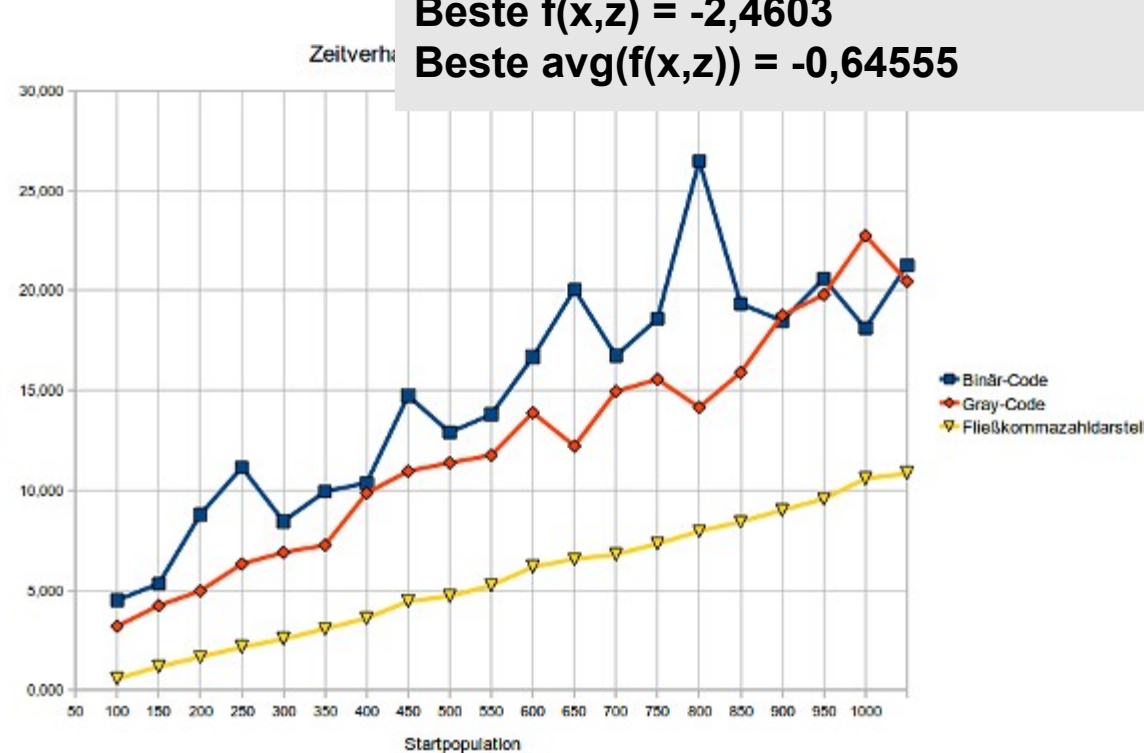
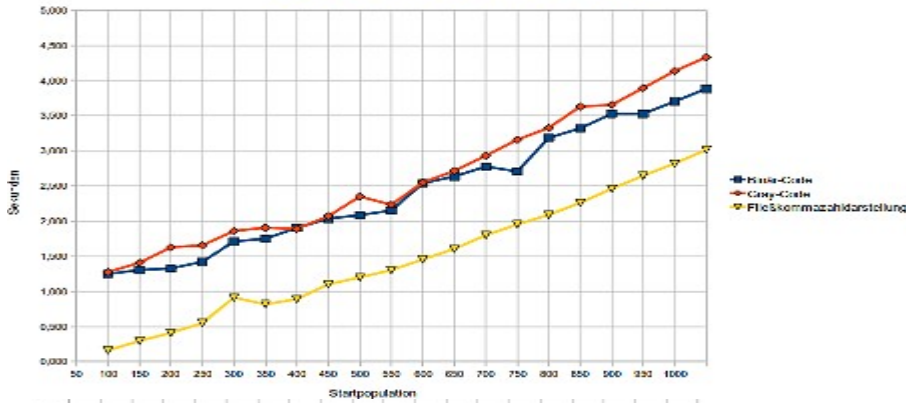
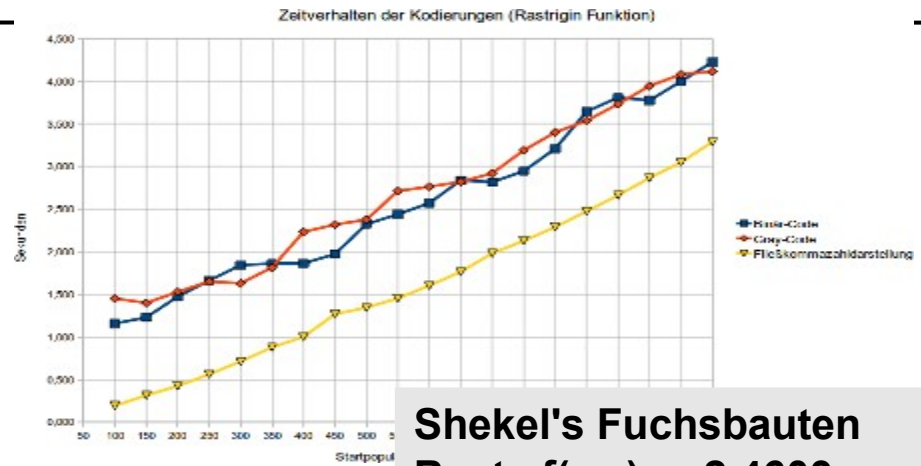
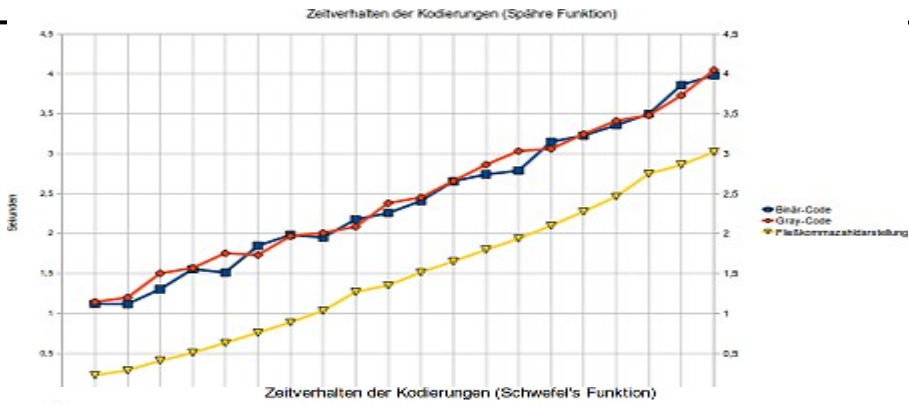
Shekel's  
Fuchsbaute



Rastrigin Funktion

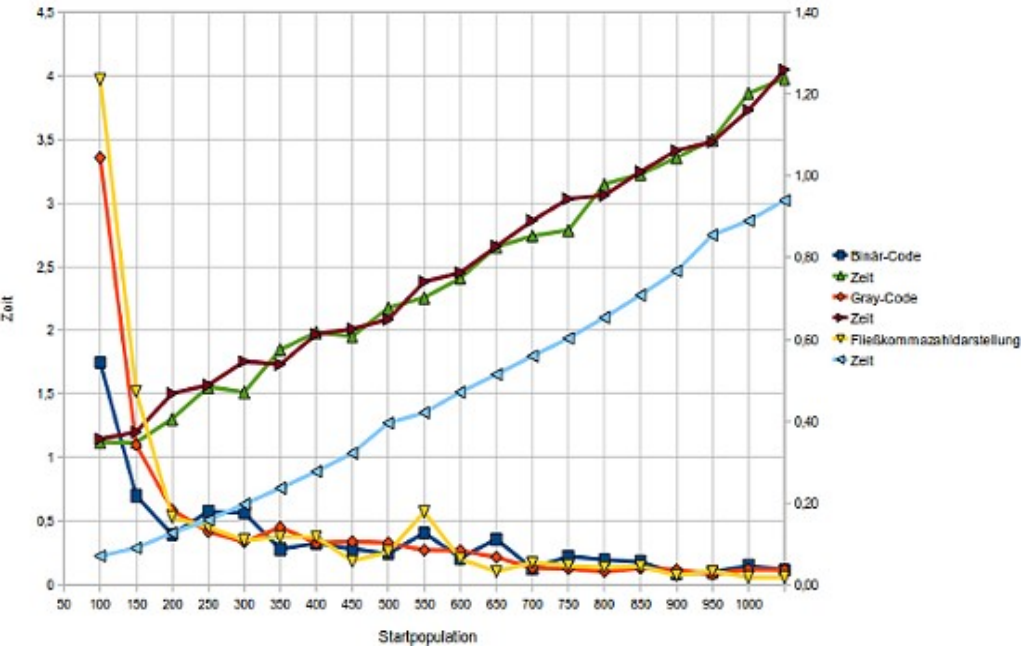
Quelle: Marion Riedel,  
Diplomarbeit, 2002

# Messergebnisse – Zeitverhalten GA

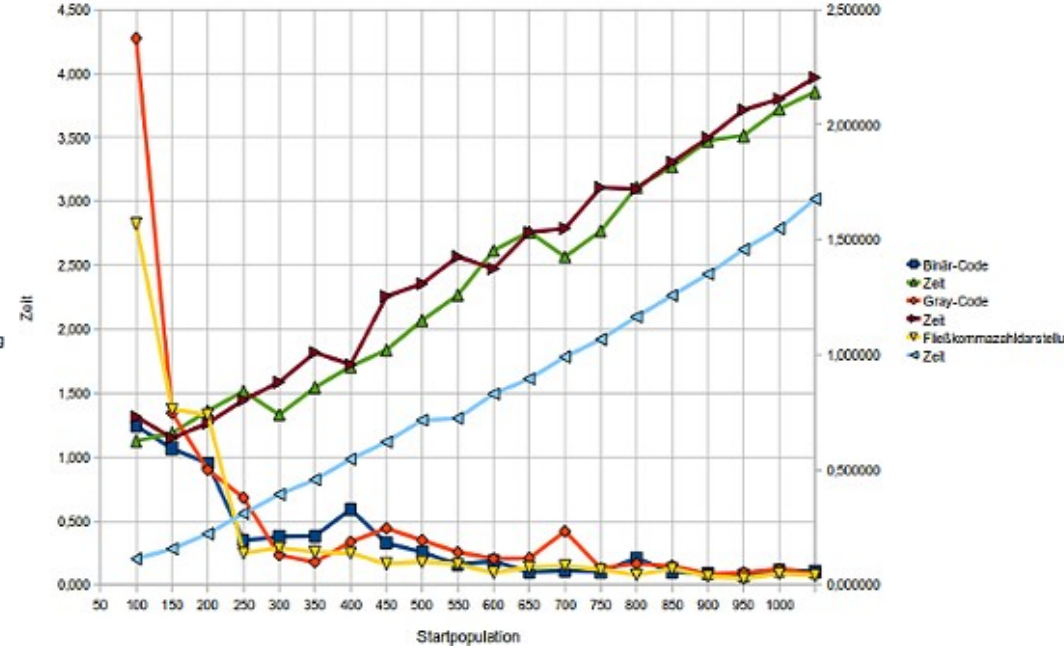


# Messergebnisse – Konvergenzverhalten GA

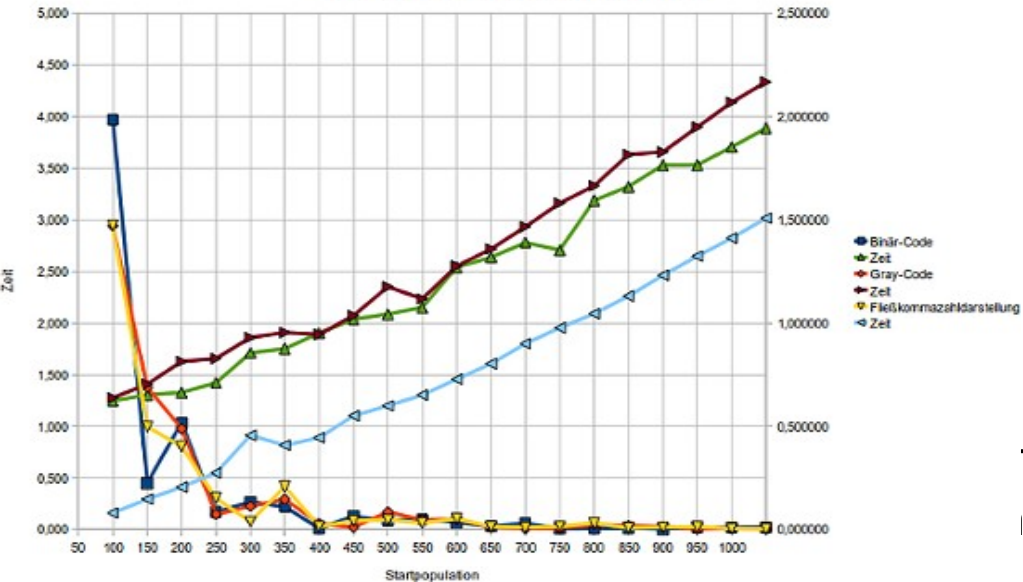
Minimierungsergebnisse (Spähre Funktion)



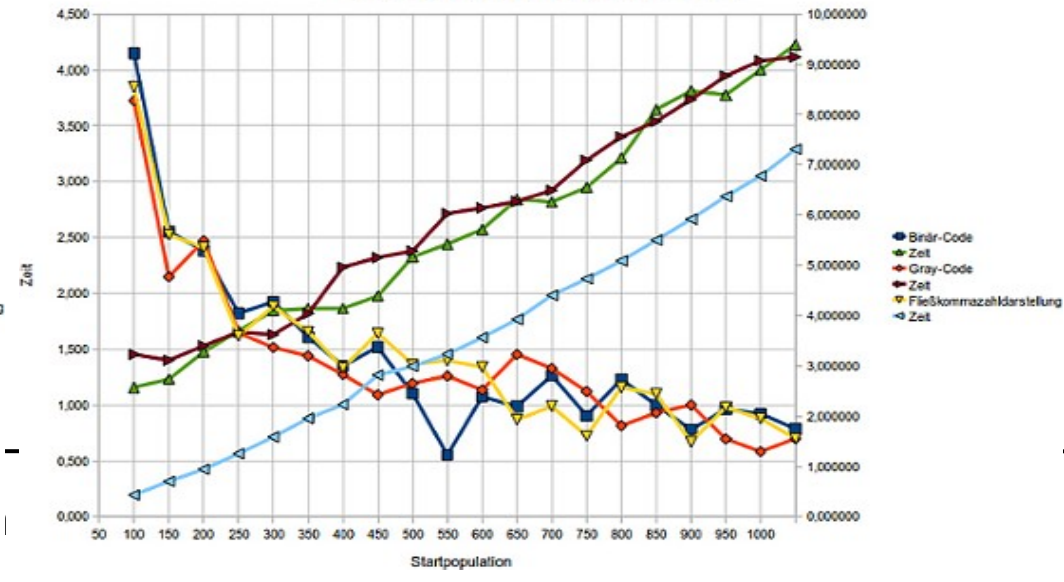
Minimierungsergebnisse (Rosenbrock's Sattel)



Minimierungsergebnisse (Schwefel Funktion)



Minimierungsergebnisse (Rastrigin Funktion)



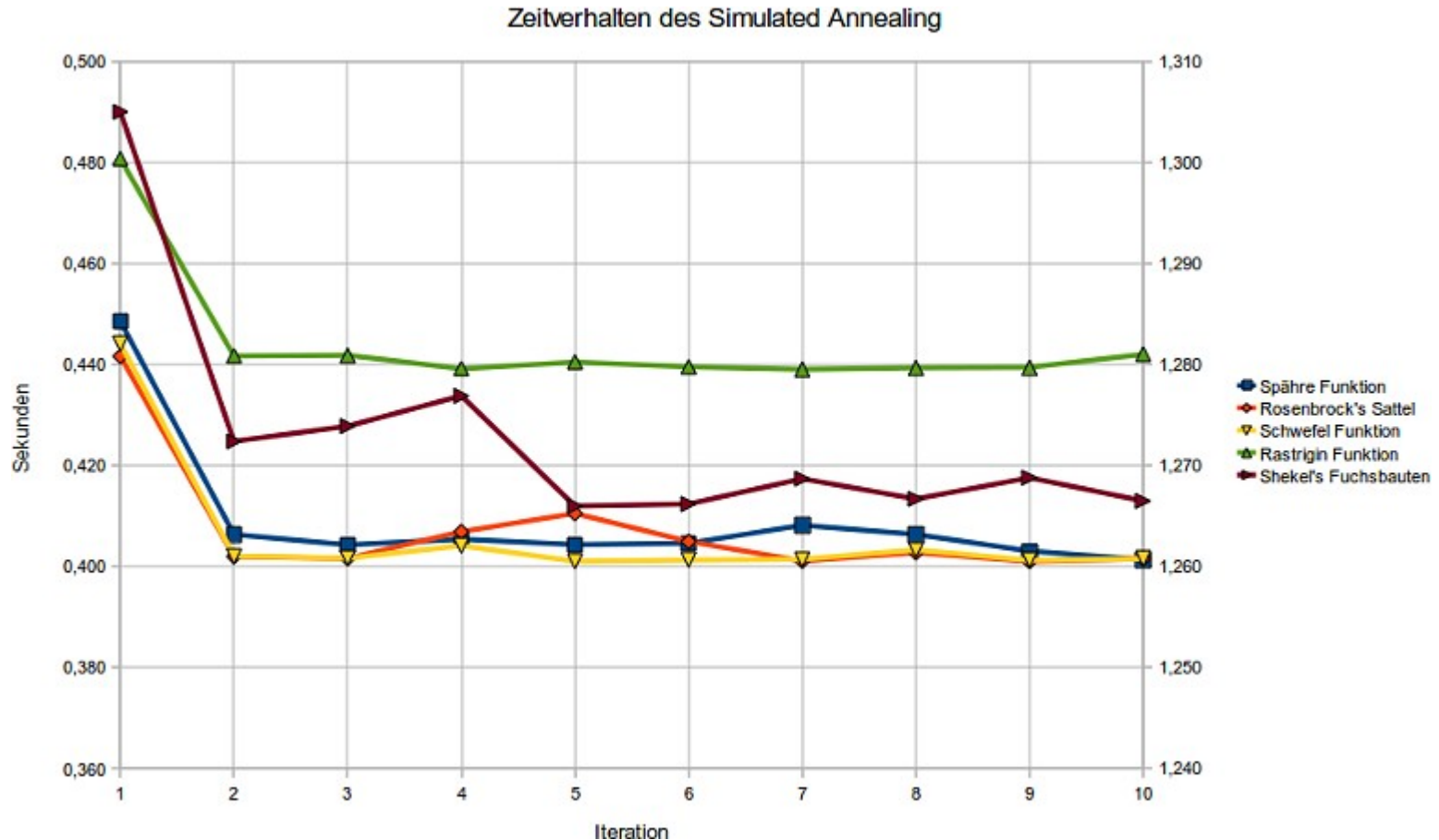
# Messergebnisse – Konvergenzverhalten GA - Zahlenwerte

- Annähernd gutes Minima in den Messungen bis zu einer Startpopulation := 300

	Spähren Funktion		Rosenbrock's Sattel		Schwefel Funktion		Rastrigin Funktion		Shekel's Fuchsbauten	
	Popsize	Wert	Popsize	Wert	Popsize	Wert	Popsize	Wert	Popsize	Wert
<b>Binär-Code Kodierung</b>	300	0,086801	300	0,193070	200	0,084505	300	3,575400	50	-0,645550
<b>Gray-Code Kodierung</b>	250	0,104060	300	0,099546	200	0,074256	300	3,197600	300	-1,963400
<b>Fließkommazahl Kodierung</b>	250	0,107970	200	0,138290	250	0,038247	200	3,594300	50	-0,780830



# Messergebnisse – Zeitverhalten *Simulated Annealing*



- Zeitverhalten des *Simulated Annealing* für die Testfunktionen, Shekel's Funktion auf der rechten y-Achse, alle anderen auf der linken y-Achse
- Viel viel weniger Iterationen, Ergebnis daher nicht verwunderlich

# Messergebnisse – *Simulated Annealing* - Zahlen

---

<b>Funktion</b>	<b>best fx</b>	<b>Iteration</b>
Sphäre Funktion	0,0000053943	6
Rosenbrock's Sattel	0,0000067863	5
Schwefel Funktion	0,0000000001	9
Rastrigin Funktion	7,9609000000	3
Shekel's Fuchsbauten	0,0051622000	6

# Messergebnisse – Fazit

<b>Funktion</b>	<b>KGA beste</b>	<b>KGA Kodierung</b>	<b>SA beste</b>
Sphäre Funktion	0,086801	Binär-Code	<b>0,0000053943</b>
Rosenbrock's Sattel	0,099545	Gray-Code	<b>0,0000067863</b>
Schwefel Funktion	0,074256	Gray-Code	<b>0,0000000076</b>
Rastrigin Funktion	<b>3,197600</b>	<b>Gray-Code</b>	7,9609000000
Shekel's Fuchsbauten	-0,645550	Binär-Code	<b>0,0051622000</b>

- Bei 4/5 der Messungen liefert der SA ein besseres Ergebnis
- Der Gray-Code ist bei der Kodierung und Anwendung der GA Operatoren am effektivsten

- Dokumentation
- Messergebnisse
- Matlab Implementierung
- Präsentation

In der aktuellen Version und Ausarbeitung zu finden unter:

Webseite: <http://ti.fh-bielefeld.de/~cries/>